

LABOKLIN

LABOR FÜR KLINISCHE DIAGNOSTIK GMBH & CO. KG

Laboklin GmbH & Co. KG, Steubenstraße 4, 97688 Bad Kissingen

LABOKLIN GmbH & Co. KG
Postfach
4002 Basel
Schweiz

Untersuchungsbefund Nr.: 2601-C-02066

Probeneingang: 27.01.2026
Datum Befund: 09.02.2026
Untersuchungsbeginn: 27.01.2026
Untersuchungsende: 09.02.2026
Befundstatus: Endbefund

Tierart:	Katze
Rasse:	Britisch Langhaar
Geschlecht:	weiblich
Name:	Missy von der Forch*CH
Zuchtbuchnummer:	FFH LO 113239
Chipnummer:	756098502067911
Geburtsdatum / Alter:	13.04.2025
Probenmaterial:	EDTA-Blut
Probenentnahme:	26.01.2026
Probennehmer:	Dr.med.vet. Scholz
Patientenbesitzer:	Stier, Martina
EDV-Nummer / Befund-ID:	---



Bei genetischen Tests untersuchen wir die Varianten, die mit Erbkrankheiten oder genetischen Merkmalen assoziiert sind. Die Ergebnisse der genetischen Untersuchungen zeigen für die untersuchten Varianten immer beide Allele des Tieres. Dabei ist "N" die Angabe für das Wildtyp-Allel, die auffälligen Allele tragen die Bezeichnung der damit assoziierten Erkrankung (hier exemplarisch "mut").

Mögliche Ergebnisse:

- N/N: Die für die Krankheit untersuchte Variante liegt nicht vor.
- N/mut: Das untersuchte Tier trägt eine Kopie der untersuchten Variante.
- mut/mut: Das untersuchte Tier trägt zwei Kopien der untersuchten Variante.

Mit diesen genetischen Informationen allein, kann jedoch noch keine Aussage getroffen werden, ob, wann oder in welchem Ausmaß eine Krankheit auftritt. Bei manchen Krankheiten hängt die Schwere der Erkrankung noch von weiteren, teils nicht genetisch bestimmbar Faktoren ab. Auch variable Penetranzen - unterschiedlich schwere Ausprägungen, spielen häufig eine Rolle. In der Regel tritt die Krankheit bei rezessiven Erbkrankheiten erst bei zwei Kopien der untersuchten Variante auf. Bei dominanten Erbkrankheiten wirkt sich bereits eine Kopie der Variante auf das Auftreten der Krankheit aus. Die Anmerkungszeichen **r** (autosomal rezessiv), **d** (autosomal dominant) und **Xr** (X-chromosomal rezessiv) kennzeichnen den jeweiligen Erbgang.

Nicht jedes auffällige Ergebnis ist zwingend mit gesundheitlichen Konsequenzen für das Tier oder seine Nachkommen verbunden. Gerade bei heterozygotem (mischerbigem) Vorliegen monogen-autosomal-rezessiver Erkrankungen haben die aufgezeigten Ergebnisse keine gesundheitliche Bedeutung für das Tier und bei Verpaarung mit einem freien Tier auch nicht für die Nachkommen.

Für rasseunspezifische Ergebnisse gilt:

Bislang wurde wissenschaftlich keine Korrelation zwischen der getesteten Variante und der zugehörigen klinischen Symptomatik in der Rasse dieses Tieres nachgewiesen.

Genauere Informationen zu den einzelnen Erbkrankheiten finden Sie auf unserer Website.

Genetische Bestimmung der Blutgruppe - PCR

Ergebnis: Genotyp N/b

Interpretation: Das untersuchte Tier ist Anlageträger (heterozygot) für eine der bisher bekannten ursächlichen Varianten für das Allel b, welches mit der serologischen Blutgruppe B korreliert ist, prägt diese aber nicht aus.

Erfasst werden drei genetische Varianten (268T>A, 179G>T, 1322delT) für die Allele b und eine Variante (364C>T) für c.

Allelische Reihe nach Dominant: N>c>b

RASSESPEZIFISCHE VARIANTEN

Unbedenkliche Ergebnisse	Genotyp	Gen	Variante
Cystinurie ^r	N/N	SLC7A9	T-A
FXII-Defizienz (1321delC) ^{r,5}	N/N	F12	DEL
FXII-Defizienz (1631G>C) ^{r,5}	N/N	F12	G-C
MDR1-Genvariante (MDR) ^r	N/N	ABCB1	DEL
Mucopolysaccharidose Typ VII (MPS VII) ^r	N/N	GUSB	G-A
Myotonia congenita ^r	N/N	CLCN1	G-T

RASSESPEZIFISCHE VARIANTEN

Unbedenkliche Ergebnisse	Genotyp	Gen	Variante
Polydaktylie - Hw-Variante ^d	N/N	LMBR1	T-C
Polydaktylie - UK1-Variante ^d	N/N	LMBR1	C-G
Polydaktylie - UK2-Variante ^d	N/N	LMBR1	T-A
Polyzystische Nierenerkrankung (PKD) ^d	N/N	PKD1	C-A
Progressive Retinaatrophie (pd-PRA) ^r	N/N	AIPL1	C-T

RASSEUNSPECIFISCHE VARIANTEN (KORRELATION IN IHRER RASSE ZUR ZEIT NICHT BEKANNT)

Unbedenkliche Ergebnisse	Genotyp	Gen	Variante
Acrodermatitis enteropathica (AE) ^r	N/N	SLC39A4	C-G
Alpha-Mannosidose (AMD) ^r	N/N	MAN2B1	DEL
Autoimmunes lymphoproliferatives Syndrom (ALPS) ^r	N/N	FASLG	INS
Congenitale Hypothyreose (CH) ^r	N/N	TPO	C-T
Faktor XI Defizienz ^{r,5}	N/N	F11	G-A
Gangliosidose (GM1) ^r	N/N	GLB1	C-G
Gangliosidose (GM2) ^r	N/N	HEXB	DEL
Glycogenspeicherkrankheit (GSDIV) ^r	N/N	GBE1	COMPLEX
GM2-Gangliosidose ^r	N/N	HEXB	DEL
Head Defect	N/N	ALX1	DEL
Hypertrophe Kardiomyopathie (HCM1) Maine Coon ^d	N/N	MYBPC3	C-G
Hypertrophe Kardiomyopathie (HCM3) Ragdoll ^d	N/N	MYBPC3	G-A
Hypertrophe Kardiomyopathie (HCM4) Sphynx ^d	N/N	ALMS1	G-C
Hypokaliämie ^r	N/N	WNK4	C-T
Hypotrichose/Kurzlebigkeit ^r	N/N	FOXN1	DEL
Kongenitales myasthenes Syndrom (CMS) ^r	N/N	COLQ	C-T
Mucopolysaccharidose Typ VI (MPS VI) ^r	N/N	ARSB	A-G, C-T
Osteochondrodysplasie ^d	N/N	TRPV4	C-A
Primäres Erblisches Glaukom (PCG) ^r	N/N	LTBP2	INS
Progressive Retinaatrophie (PRA-b) ^r	N/N	KIF3B	C-T
Progressive Retinaatrophie (rdAc-PRA) ^r	N/N	CEP290	A-C
Pyruvatkinase-Defizienz ^r	N/N	PKLR	G-A
Spinale Muskelatrophie (SMA) ^r	N/N	LIX1	COMPLEX

FELLFARBEN & FELLMERKMALE

Genetischer Test	Genotyp	Allelische Reihe
Farbvariante "Snow" Bengal ^r	cs/cs	C>cb>cs
Farbvariante Colourpoint ^r	cs/cs	C>cb>cs
Farbvariante Gold (extreme Sunshine) ^r	N/N	N>wbeSIB>wbSib
Farbvariante Gold (Kupfer) ^r	N/N	N>wbBSH
Farbvariante Gold (Sunshine) ^r	N/N	N>wbSib
Farbverdünnung Dilution ^r	D/D	D>d
Fellfarbe Amber ^r	E/E	E>e
Fellfarbe Braun ^r	B/B	B>b>bl
Fellfarbe Charcoal ^r	A/A	A>a
Fellfarbe Copal ^r	E/E	E>ec
Fellfarbe Russet ^r	E/E	E>er
Felltyp Curly ^d	N/N	Cu>N
Fellzeichnung Agouti ^r	A/A	A>a
Haarlänge ^r	M4/M4	

FELLFARBEN & FELLMERKMALE

Genetischer Test	Genotyp	Allelische Reihe
Hairless/Curly Coat (SPH/DRX) ^r	N/N	N>hr>re
Tabby (S59X)	TaM/TaM	TaM>Tab
Tabby (W841X)	TaM/TaM	TaM>Tab
TiA (C63Y) ^d	N/TiA	TiA=TiCK>N
TiCK (A18V) ^d	N/N	TiA=TiCK>N

Die Ergebnisse gelten nur für das im Labor eingegangene Probenmaterial. Die Verantwortung für die Richtigkeit der Angaben zu den eingesandten Proben liegt beim Einsender. Gewährleistungsverpflichtungen dafür können nicht übernommen werden. Schadensersatzverpflichtungen sind, soweit gesetzlich zulässig, auf den Rechnungswert der durchgeführten Untersuchung/en beschränkt, im Übrigen haften wir nur für Vorsatz und grobe Fahrlässigkeit, soweit gesetzlich möglich.

Weitere Genveränderungen, die ebenfalls die Ausprägung der Erkrankung/Merkmale beeinflussen können, können nicht ausgeschlossen werden. Die Untersuchung/en erfolgte/n nach dem derzeitigen allgemeinen wissenschaftlichen Kenntnisstand.

Das Labor ist für die auf diesem Befund aufgeführten Untersuchungen akkreditiert nach DIN EN ISO/IEC 17025:2018 (ausgenommen Partnerlabor-Leistungen).

In seltenen Fällen sind einzelne Tests nicht auswertbar, meist wegen unzureichender DNA-Qualität oder -Menge. Wir garantieren Ergebnisse für mindestens 95% aller Tests.

Erläuterungen zur Fellfarbgenetik

Eine Hilfe zur Interpretation der genetischen Varianten finden Sie hier:

https://shop.labogen.com/fellfarbgenetik_katze



Anmerkungsziffern

Detaillierte Informationen zu den Anmerkungsziffern finden Sie hier:

<https://shop.labogen.com/anmerkungen-info>



Das Methoden-Abkürzungsverzeichnis finden Sie unter www.laboklin.com in der Rubrik "Leistungen".

Die Untersuchungsergebnisse beziehen sich auf das uns eingesandte Probenmaterial. Dieses war untersuchungsfähig, sofern nichts anderes angegeben ist. Die Richtigkeit der Angaben zu den Proben verantwortet der Einsender. Dieser Prüfbericht darf nur vollständig und unverändert weitergegeben werden. Abweichende Vorgehensweisen bedürfen der schriftlichen Genehmigung der Laboklin GmbH & Co. KG. Hinweis: Wer die in diesem Dokument aufgeführten Daten absichtlich so speichert oder verändert, dass bei ihrer Wahrnehmung eine unechte/verfälschte Urkunde vorliegen würde, oder derart gespeicherte oder veränderte Daten gebraucht, macht sich strafbar und muss mit juristischen Konsequenzen rechnen.

LABOKLIN ist ein nach DIN EN ISO/IEC 17025:2018 akkreditiertes Labor, mit Nummern D-PL-13186-01-01, D-PL-13186-01-02 und D-PL-13186-01-03. Diese Akkreditierung bezieht sich auf alle in der Akkreditierungsurkunde aufgeführten Prüfverfahren.

***** ENDE des Befundes *****